

Datos Personales

DR. JOSE CRISPIN HERNANDEZ HERNANDEZ

Correo Electrónico: josechh@yahoo.com

Dedicación al Programa: PTC

Áreas de Interés: METAHEURISTICAS E OPTIMIZACION, BIOINFORMATICA, BIOMEDICINA, LOGICA DIFUSA, VISION POR COMPUTADORA

Formación Académica

Licenciatura en Informática

Instituto Tecnológico de Apizaco
1990 a 1993.

Maestría en Ciencias en Ciencias Computacionales

Tesis: Diseño e Implementación de un Prototipo de un Control Inteligente para un Cultivo Hidropónico

Instituto Tecnológico de Apizaco
1995 a 1998.

Doctorado en Informática

Tesis: Algorithmes métaheuristiques hybrides pour la sélection de gènes et la classification de données de biopuces

Université d'Angers, Francia
2004 a 2008.

Proyectos

Título del proyecto: REDUCCIÓN DE LA DIMENSIÓN DE DATOS BIOMÉDICOS OBTENIDOS DE LA TECNOLOGÍA DE MICROARREGLOS DE ADN, A PARTIR DE LA SELECCIÓN DE LAS CARACTERÍSTICAS MÁS RELEVANTES.

Fecha Inicio: 01 de marzo de 2009

Fecha Final: en proceso

Investigadores Participantes:

EDMUNDO BONILLA HUERTA Responsable

MARÍA GUADALUPE MEDINA BARRERA Co-Responsable

JOSÉ JUAN HERNÁNDEZ MORA Co-Responsable

JOSE FEDERICO RAMIREZ CRUZ Co-Responsable

JOSÉ CRISPÍN HERNÁNDEZ HERNÁNDEZ Co-Responsable

Becarios Participantes:

1 RICARDO CUAHUTLE CABRERA

2 ZAID PEREZ CUAPIO

Título del proyecto: SISTEMA DE DETECCION DE ARRITMIAS CARDIACAS UTILIZANDO LOGICA DIFUSA

Fecha Inicio: 01 de septiembre de 2009

Fecha Final: en proceso

Investigador participante:

1 JOSÉ CRISPÍN HERNÁNDEZ HERNÁNDEZ Responsable

Becarios Participantes:

1 ANEL HERNANDEZ PEREZ

2 VIANNEY MORALES ZAMORA

Productos:

INVESTIGACION EN PROCESO TESIS DE GRADO DE MAESTRÍA :

TESIS DE GRADO EN PROCESO: "ALINEACION DE SECUENCIAS DE ADN USANDO UN ALGORITMO GENETICO Y PROGRAMACION DINAMICA, PARA LA IDENTIFICACION DE ENFERMEDADES (DIABETES TIPO2, INSUFICIENCIA RENAL, HIPERTENSION ARTERIAL ESENCIAL) EN BASE A PROBABILIDADES OBTENIDAS CON CADENAS DE MARKOV "

Publicaciones

Título del trabajo: Alignment of sequences using a genetic algorithm and dynamic programming.

Año: 2010

Nombre Congreso: BIOCAMP2010.

Tipo Congreso: Extranjero

Coautores Núm Coautor:

1 Vianney Morales Zamora

2 JOSE CRISPIN HERNANDEZ HERNANDEZ

Tipo de Trabajo: Artículo

País: EUA

Título del trabajo: Detección de arritmias cardiacas utilizando lógica difusa

Año: 2009

Nombre Congreso: 6o Congreso Internacional de Ingeniería de Software, Sistemas de Información y Telecomunicaciones. ISSIT 2009.

Tipo Congreso: Extranjero

Coautores Núm Coautor:

1 JOSE CRISPIN HERNANDEZ HERNANDEZ

2 EDMUNDO BONILLA HUERTA

Tipo de Trabajo: Artículo

País: PERU

Título del trabajo: A filter-wrapper approach using specialized genetic operators for gene subset selection

Año: 2009

Nombre Congreso: 6o Congreso Internacional de Ingeniería de Software, Sistemas de Información y Telecomunicaciones. ISSIT 2009.

Tipo Congreso: Extranjero

Coautores Núm Coautor:

1 EDMUNDO BONILLA HUERTA

2 JOSE CRISPIN HERNANDEZ HERNANDEZ

Tipo de Trabajo: Artículo

País: PERU

Título del trabajo: A memetic algorithm for gene selection and molecular classification of cancer

Año: 2009

Nombre Congreso: Genetic and Evolutionary Computation Conference, GECCO 2009

Tipo Congreso: Extranjero

Coautores Núm Coautor:

1 BEATRIZ DUVAL

2 JIN-KAO HAO

3 JOSE CRISPIN HERNANDEZ HERNANDEZ

Tipo de Trabajo: Artículo

País: CANADA

Título del trabajo: SVM-Based Local Search for Gene Selection and Classification of Microarray Data

Año: 2008

Nombre Congreso: Bioinformatics Research and Development, Second International Conference, BIRD 2008.

Tipo Congreso: Extranjero

Coautores Núm Coautor:

1 JOSE CRISPIN HERNANDEZ HERNANDEZ

2 BEATRIZ DUVAL

3 JIN-KAO HAO

Tipo de Trabajo: Artículo

País: SUIZA

Título del trabajo: A Study of Crossover Operators for Gene Selection of Microarray Data

Año: 2007

Nombre Congreso: Artificial Evolution 2007.

Tipo Congreso: Extranjero

Coautores Núm Coautor:

1 JOSE CRISPIN HERNANDEZ HERNANDEZ

2 BEATRIZ DUVAL

3 JIN-KAO HAO

Tipo de Trabajo: Artículo

País: FRANCIA

Título del trabajo: A Genetic Embedded Approach for Gene Selection and Classification of Microarray Data

Año: 2007

Nombre Congreso: Evolutionary Computation, Machine Learning and Data Mining in Bioinformatics, 5th European Conference, EvoBIO 2007.

Tipo Congreso: Extranjero

Coautores Núm Coautor:

1 JOSE CRISPIN HERNANDEZ HERNANDEZ

2 BEATRIZ DUVAL

3 JIN-KAO HAO

Tipo de Trabajo: Artículo

País: ESPAÑA

Tesis dirigida

Título de la Tesis: ALINEACION DE SECUENCIAS DE ADN USANDO UN ALGORITMO GENETICO Y PROGRAMACION DINAMICA, PARA LA IDENTIFICACION DE ENFERMEDADES (DIABETES TIPO2, INSUFICIENCIA RENAL, HIPERTENSION ARTERIAL ESENCIAL) EN BASE A PROBABILIDADES OBTENIDAS CON CADENAS DE MARKOV.

Fecha Conclusión:

Concluída (Sí/No): No

Autor: VIANNEY MORALES ZAMORA

Grado Académico obtenido/por obtener: MAESTRIA

Fecha obtención:

País: México

Título de la Tesis: DETECCIÓN DE INTRUSOS EN REDES DE TRABAJO CON REDES NEURONALES Y ALGORITMOS EVOLUTIVOS.

Fecha Conclusión:

Concluída (Sí/No): No

Autor: LUIS RODOLFO CORONA GONZALEZ

Grado Académico obtenido/por obtener: MAESTRIA

Fecha obtención:

País: México

Participación en proyectos con financiamiento

Título del proyecto: SISTEMA DE DETECCION DE ARRITMIAS CARDIACAS UTILIZANDO LOGICA DIFUSA Registro DGEST 2541.09P

Título del proyecto: SISTEMA DE DETECCION DE ARRITMIAS CARDIACAS UTILIZANDO LOGICA DIFUSA Registro PROMEP ITAPI-EXB-001